

DNA解析でイネの品種識別精度を向上！

‘きぬむすめ’を簡単に識別できるDNAマーカー^{*1}を作成しました。これにより県内で流通する可能性のある23品種と‘きぬむすめ’を容易に識別できるため、異品種の混入のない良質な種子生産に寄与できます。

<はじめに>

良質なコメ生産のためにには、優良な種子の確保が必要不可欠です。当センターでは、原種ほ場^{*2}及び採種ほ場^{*3}において、栽培時や収穫後に異品種が混入した場合の原因究明に、DNAマーカーを使った品種識別を行うことで、水稻生産者への優良な種子の供給に努めています。

現在、品種識別に用いているRAPD法は、簡便で安価な手法ですが、遺伝子の違いを確認するバンド（図1の白線）が複数得られることが多く、分析に時間がかかります。また、再現性が低く、結果を出すためには複数回分析を行う必要があります。

一方、STSマーカーは再現性、信頼性が高く、識別精度の向上や時間短縮が期待できるため、今回、RAPDマーカーのSTSマーカー化を試みました。

<STSマーカーの作成結果>

‘きぬむすめ’だけ他品種と位置が異なるRAPDマーカー（図1上、矢印）の塩基配列を基に、‘きぬむすめ’だけバンドがなく、他品種では1本のバンドが安定して得られるSTSマーカー化を行いました（図1下）。

これにより、‘きぬむすめ’と他品種とを区別でき、県内で流通の可能性のある23品種と‘きぬむすめ’を容易に識別できます。

今後は、‘きぬむすめ’以外の品種を含め、今回のRAPDマーカー以外についても同様にSTSマーカー化を行い、識別精度を向上していく予定です。

※1 DNAマーカー：生物がもつDNAに基づく個体の違いを表す目印

※2 原種ほ場：採種ほ場で使う種子『原種』を生産するためのほ場

※3 採種ほ場：水稻生産者へ配布する『種子』を生産するためのほ場

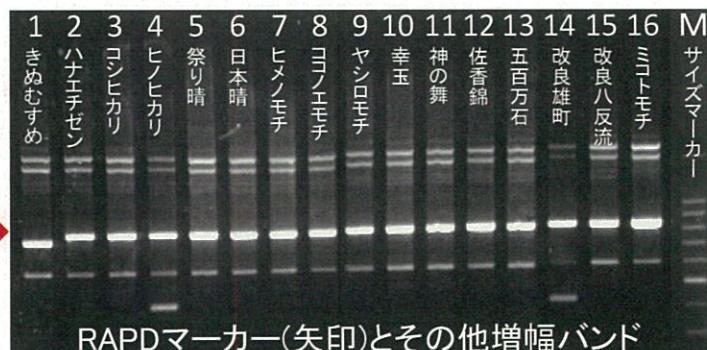


図1.RAPDプライマーおよび作成したSTSマーカーでのバンドパターン